

Gene	T	L	p-value	Gene	T	L	p-value	Gene	T	L	p-value	Gene	T	L	p-value
<i>paaJ</i>	-6.0	-5.6	0.32	<i>sgcB</i>	-5.2	-5.1	0.66	<i>sgcB</i>	-5.2	-5.1	0.66	<i>hokC</i>	-3.0	-3.3	0.27
<i>paaK</i>	-3.8	-3.1	0.35	<i>yqeF</i>	-3.1	-2.8	0.26	<i>yqeF</i>	-3.1	-2.8	0.26	<i>fadL</i>	-1.9	-2.1	0.69
<i>yqeA</i>	-5.4	-5.1	0.37	<i>acs</i>	-0.2	-0.2	0.95	<i>acs</i>	-0.2	-0.2	0.95	<i>adeQ</i>	-7.5	-8.7	0.20
<i>astC</i>	-1.0	-0.8	0.62	<i>fucO</i>	-4.1	-3.8	0.36	<i>fucO</i>	-4.1	-3.8	0.36	<i>exuT</i>	-12.6	-12.1	0.09
<i>yoeF</i>	-5.8	-5.5	0.42	<i>araB</i>	-8.4	-8.3	0.56	<i>araB</i>	-8.4	-8.3	0.56	<i>sdaC</i>	-4.6	-4.5	0.71
<i>dadA</i>	0.5	0.2	0.59	<i>yihU</i>	-8.7	-8.7	0.99	<i>yihU</i>	-8.7	-8.7	0.99	<i>ppdA</i>	-6.7	-6.6	0.87
<i>hcaB</i>	-4.9	-5.2	0.13	<i>aldA</i>	0.7	0.6	0.85	<i>aldA</i>	0.7	0.6	0.85	<i>aqpZ</i>	-3.4	-3.6	0.55
<i>aspC</i>	-1.3	-1.0	0.03	<i>fumA</i>	-0.6	-0.6	0.94	<i>fumA</i>	-0.6	-0.6	0.94	<i>relE</i>	-1.8	-1.7	0.70
<i>betB</i>	-3.7	-3.5	0.67	<i>garD</i>	-5.7	-5.7	0.88	<i>garD</i>	-5.7	-5.7	0.88	<i>nhaA</i>	-2.7	-3.0	0.33
<i>tyrB</i>	-2.0	-2.2	0.48	<i>crr</i>	1.5	1.8	0.35	<i>crr</i>	1.5	1.8	0.35	<i>hokD</i>	-1.7	-1.6	0.73
<i>thrA</i>	-2.8	-2.3	0.21	<i>xylA</i>	-6.1	-4.5	0.08	<i>xylA</i>	-6.1	-4.5	0.08	<i>yahN</i>	-6.8	-7.4	0.08
<i>speE</i>	-1.3	-1.2	0.81	<i>fumD</i>	-4.8	-4.3	0.20	<i>fumD</i>	-4.8	-4.3	0.20	<i>cycA</i>	-1.8	-1.6	0.70
<i>aroC</i>	-3.5	-2.8	0.04	<i>ulaA</i>	-7.9	-7.5	0.30	<i>ulaA</i>	-7.9	-7.5	0.30	<i>bssS</i>	2.3	1.9	0.03
<i>ltaE</i>	-1.2	-1.0	0.84	<i>gph</i>	-3.3	-3.1	0.24	<i>gph</i>	-3.3	-3.1	0.24	<i>hokB</i>	-5.3	-4.9	0.14
<i>aroD</i>	-3.1	-3.1	0.89	<i>poxB</i>	-1.5	-1.2	0.06	<i>poxB</i>	-1.5	-1.2	0.06	<i>eamB</i>	-5.9	-6.3	0.19
<i>cysM</i>	-2.1	-2.0	0.62	<i>ybhC</i>	-5.1	-4.8	0.51	<i>ybhC</i>	-5.1	-4.8	0.51	<i>bssR</i>	2.1	2.4	0.35
<i>alaC</i>	-3.5	-3.6	0.43	<i>scpB</i>	-7.7	-7.4	0.66	<i>scpB</i>	-7.7	-7.4	0.66	<i>kdgT</i>	-6.2	-6.4	0.50
<i>solA</i>	-5.1	-4.8	0.21	<i>manA</i>	-1.7	-1.7	0.89	<i>manA</i>	-1.7	-1.7	0.89	<i>crcB</i>	-3.7	-3.7	0.91
<i>puuA</i>	-4.5	-3.2	0.06	<i>hxpA</i>	-4.0	-3.7	0.39	<i>hxpA</i>	-4.0	-3.7	0.39	<i>ygbN</i>	-7.3	-7.6	0.60
<i>pepQ</i>	-2.1	-1.8	0.11	<i>treB</i>	-6.4	-6.2	0.50	<i>treB</i>	-6.4	-6.2	0.50	<i>cirA</i>	-7.8	-7.9	0.46
<i>cysH</i>	-1.4	-1.1	0.15	<i>arnB</i>	-5.1	-4.9	0.47	<i>arnB</i>	-5.1	-4.9	0.47	<i>aroP</i>	-3.1	-3.4	0.67
<i>metA</i>	-1.5	-0.9	0.34	<i>ilvM</i>	-4.8	-4.6	0.44	<i>ilvM</i>	-4.8	-4.6	0.44	<i>ydhP</i>	-3.9	-3.7	0.45
<i>ansA</i>	-3.4	-3.9	0.29	<i>ilvI</i>	-5.5	-5.4	0.79	<i>ilvI</i>	-5.5	-5.4	0.79	<i>lptD</i>	-2.2	-2.1	0.83
<i>aroH</i>	-2.3	-2.3	0.98	<i>treF</i>	-2.0	-1.9	0.39	<i>treF</i>	-2.0	-1.9	0.39	<i>yccA</i>	1.0	1.0	0.95
<i>metC</i>	-4.1	-3.8	0.66	<i>leuB</i>	-2.9	-2.8	0.77	<i>leuB</i>	-2.9	-2.8	0.77	<i>tomB</i>	0.5	0.7	0.48
<i>avtA</i>	-2.7	-2.5	0.82	<i>glnA</i>	0.5	1.7	0.05	<i>glnA</i>	0.5	1.7	0.05	<i>xylE</i>	-7.9	-8.6	0.12
<i>hisD</i>	-1.0	-0.5	0.27	<i>prpB</i>	-2.1	-1.0	0.02	<i>prpB</i>	-2.1	-1.0	0.02	<i>puuP</i>	-4.8	-4.8	1.00
<i>serA</i>	-0.7	0.0	0.08	<i>glcD</i>	-1.4	-1.2	0.41	<i>glcD</i>	-1.4	-1.2	0.41	<i>zitB</i>	-3.9	-4.0	0.95
<i>ybdL</i>	-2.4	-1.8	0.48	<i>mglB</i>	-2.8	-3.4	0.17	<i>mglB</i>	-2.8	-3.4	0.17	<i>mdtE</i>	-2.8	-2.3	0.44
<i>gltB</i>	-0.4	-0.2	0.64	<i>ytfQ</i>	-2.6	-2.6	0.84	<i>ytfQ</i>	-2.6	-2.6	0.84	<i>blc</i>	-1.5	-1.7	0.41
<i>metL</i>	-2.2	-1.9	0.28	<i>araF</i>	-5.5	-4.9	0.01	<i>araF</i>	-5.5	-4.9	0.01	<i>mscS</i>	-1.6	-1.3	0.42
<i>trpE</i>	1.8	2.2	0.18	<i>macB</i>	-5.1	-4.9	0.25	<i>macB</i>	-5.1	-4.9	0.25	<i>amtB</i>	-3.9	-2.6	0.08
<i>hisB</i>	-2.0	-2.0	0.84	<i>rbsD</i>	0.5	0.1	0.16	<i>rbsD</i>	0.5	0.1	0.16	<i>ycaD</i>	-2.7	-2.3	0.44
<i>lysA</i>	-7.8	-5.9	0.06	<i>argT</i>	-1.2	-1.3	0.83	<i>argT</i>	-1.2	-1.3	0.83	<i>ybhG</i>	-2.7	-2.5	0.76
<i>trpB</i>	0.3	0.2	0.89	<i>lolD</i>	-3.5	-3.2	0.32	<i>lolD</i>	-3.5	-3.2	0.32	<i>galP</i>	-5.2	-5.1	0.85
<i>fadD</i>	0.9	0.3	0.08	<i>tolC</i>	-1.7	-1.2	0.13	<i>tolC</i>	-1.7	-1.2	0.13	<i>ydeA</i>	-5.8	-5.2	0.09
<i>ucpA</i>	-1.9	-2.0	0.81	<i>modF</i>	-5.9	-5.6	0.30	<i>modF</i>	-5.9	-5.6	0.30	<i>kefF</i>	-5.8	-5.3	0.26
<i>fabD</i>	-0.5	-0.5	0.93	<i>hisP</i>	-6.1	-5.9	0.84	<i>hisP</i>	-6.1	-5.9	0.84	<i>phoE</i>	-8.7	-9.1	0.02
<i>fabB</i>	-1.4	-0.8	0.04	<i>potB</i>	-4.3	-4.0	0.26	<i>potB</i>	-4.3	-4.0	0.26	<i>csgE</i>	-4.1	-4.2	0.50
<i>acpH</i>	-4.5	-4.4	0.29	<i>ptsN</i>	-1.7	-1.4	0.47	<i>ptsN</i>	-1.7	-1.4	0.47				
<i>clsC</i>	-3.5	-3.3	0.51	<i>ugpB</i>	-3.8	-3.8	0.97	<i>ugpB</i>	-3.8	-3.8	0.97				
<i>psd</i>	-3.3	-2.8	0.19	<i>ptsP</i>	-3.0	-2.8	0.31	<i>ptsP</i>	-3.0	-2.8	0.31				
<i>ispF</i>	-3.8	-3.6	0.59	<i>sapD</i>	-2.9	-2.8	0.36	<i>sapD</i>	-2.9	-2.8	0.36				
<i>clsB</i>	-4.7	-4.6	0.87	<i>lsrB</i>	-2.9	-2.3	0.24	<i>lsrB</i>	-2.9	-2.3	0.24				
<i>pgsA</i>	-4.2	-3.8	0.23	<i>metI</i>	-3.3	-3.4	0.94	<i>metI</i>	-3.3	-3.4	0.94				
<i>glpA</i>	-8.2	-6.6	0.36	<i>oppB</i>	-0.3	0.5	0.31	<i>oppB</i>	-0.3	0.5	0.31				
<i>glpD</i>	-3.8	-2.6	0.18	<i>livH</i>	-7.2	-6.8	0.38	<i>livH</i>	-7.2	-6.8	0.38				
				<i>livJ</i>	-4.9	-4.8	0.30	<i>livJ</i>	-4.9	-4.8	0.30				
				<i>potG</i>	-5.3	-5.3	0.95	<i>potG</i>	-5.3	-5.3	0.95				
				<i>pstS</i>	-1.9	-1.7	0.76	<i>pstS</i>	-1.9	-1.7	0.76				
				<i>pstC</i>	-3.9	-3.8	0.93	<i>pstC</i>	-3.9	-3.8	0.93				
				<i>pstB</i>	-3.3	-3.5	0.85	<i>pstB</i>	-3.3	-3.5	0.85				
				<i>phnC</i>	-9.6	-9.1	0.36	<i>phnC</i>	-9.6	-9.1	0.36				

Fig. S4. Quantification of mRNA levels of selected differentially expressed genes (DEGs) using quantitative reverse transcription polymerase chain reaction (RT-qPCR). Relative mRNA levels were calculated under Tris buffer (15 min) and LNT113 (0.64 μ M, 15 min) conditions. Ct values for each gene were normalized to *rpoD*, and relative expression levels are presented as Δ Ct values in T (Tris buffer 15 min) and L (LNT113 15 min) columns. Yellow-highlighted genes exhibited statistically significant differences between two conditions ($p < 0.05$).